



Guía Docente

Guía Docente				
Datos Identificativos			2012/13	
Asignatura (*)	Bioinformática e Modelado de Biomoléculas		Código	610441020
Titulación				
Descriptores				
Ciclo	Período	Curso	Tipo	Créditos
Mestrado Oficial	2º cuatrimestre	Primeiro	Optativa	3
Idioma	Castelán			
Prerrequisitos				
Departamento	Bioloxía Celular e MolecularComputaciónTecnoloxías da Información e as Comunicacións			
Coordinación	Dorado de la Calle, Julian		Correo electrónico	julian.dorado@udc.es
Profesorado	Becerra Fernandez, Manuel		Correo electrónico	manuel.becerra@udc.es
	Dorado de la Calle, Julian			julian.dorado@udc.es
	Perez Otero, Ramon			ramon.otero@udc.es
Web				
Descrición xeral	La gestión del conocimiento en biología es el terreno de la bioinformática, e incluye tanto la formalización de la información obtenida como su organización en bases de datos adecuadas, la extracción de relaciones entre la información dispersa, el modelado de los procesos biológicos y la generación de hipótesis para sustentar nuevas aproximaciones experimentales. Desde un punto de vista técnico, la bioinformática utiliza métodos computacionales (el propio desarrollo de métodos en esta área se suele denominar biología computacional) y recibe aportaciones de las matemáticas, la física y la ingeniería informática. Sin embargo, desde el punto de vista de los objetivos, la bioinformática es una rama de la biología, como pueden serlo la bioquímica o la microbiología. En este carácter claramente interdisciplinario de la bioinformática reside tanto su fuerza como su debilidad: por una parte, la aplicación de ideas traídas de otros campos produce constantemente avances espectaculares; pero, por otra parte, es difícil desarrollar los programas de formación adecuados. Para darse cuenta de la importancia de la bioinformática en la biología actual, quizás sea suficiente decir que el método más citado en las publicaciones de esta área es Blast, un método computacional que busca e identifica secuencias de proteínas y ácidos nucleicos en bases de datos: es decir, la operación técnica más realizada por biólogos es computacional, y no experimental. De hecho, la interpretación de cualquier experimento complejo en biología requiere, casi ineludiblemente, el análisis bioinformático, algo especialmente obvio si se trata de experimentos masivos.			

Competencias da titulación

Código	Competencias da titulación
--------	----------------------------

Resultados da aprendizaxe

Competencias de materia (Resultados de aprendizaxe)	Competencias da titulación		
Conocer el acceso a los principales canales de recursos Web de Bioinformática	AI3	BI3	CM3
Conocer y manejar con propiedad la nomenclatura del área de Bioinformática	AI3	BI1 BI2 BI3 BI4 BI5 BI6 BI7 BI8 BI9	CM1 CM2 CM3 CM4 CM5 CM6 CM7 CM8
Ser capaz de desenvolverse de forma autónoma para encontrar información sobre los distintos programas y sus parámetros modificables y comprender las repercusiones en el resultado de los análisis	AI3	BI2 BI3 BI4	CM3



Tener conocimientos bioinformáticos de cómo hacer una predicción de las características unidimensionales de una proteína	AI3	BI2	CM1 CM2 CM3 CM4 CM5 CM6 CM7 CM8
Ser capaz de realizar un predicción sencilla de la estructura tridimensional de una proteína basándose en datos y programas disponibles en la Web	AI3	BI2	CM3
Conocer los métodos básicos de simulación molecular y de cómo se utilizan para el estudio de las proteínas	AI3	BI2	CM3

Contidos	
Temas	Subtemas
Bioinformática	Recursos Web y Bases de datos en biología molecular. Análisis y comparación de secuencias. Alineamiento de secuencias. Localización de motivos. Búsqueda de genes. Anotación de genes. Navegadores del proyecto genoma. Ejemplos de aplicaciones. Análisis de datos.
Modelado de Biomoléculas	Predicción de características de la estructura de proteínas. Obtención de modelos tridimensionales. Modelado por homología. Modelado mediante threading o diseño por homología remota. Métodos ab initio. Evaluación de los métodos de predicción.

Planificación			
Metodoloxías / probas	Horas presenciais	Horas non presenciais / traballo autónomo	Horas totais
Sesión maxistral	11	19.8	30.8
Seminario	4	7.2	11.2
Prácticas de laboratorio	10	20	30
Atención personalizada	3	0	3
*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientativo, considerando a heteroxeneidade do alumnado			

Metodoloxías	
Metodoloxías	Descrición
Sesión maxistral	Exposición oral complementada con el uso de medios audiovisuales con la finalidad de transmitir conocimientos y facilitar el aprendizaje.
Seminario	Técnica de trabajo que tiene como finalidad la elaboración de documentos en powerpoint y word sobre un tema propuesto por el profesor.
Prácticas de laboratorio	Metodología que permite al alumnado aprender de forma efectiva, a través de actividades de carácter práctico (demostraciones, simulaciones, etc.) la teoría de un ámbito de conocimiento, mediante la utilización de las tecnologías de la información y las comunicaciones.

Atención personalizada	
Metodoloxías	Descrición



Seminario Prácticas de laboratorio	La atención personalizada que se describe en relación a estas metodologías se conciben como momentos de trabajo presencial del alumno con el profesor por lo que implican una participación obligatoria para el alumno. La forma y el momento en que se desarrollará se indicará en relación a cada actividad a lo largo del curso según el plan de trabajo de la asignatura
---------------------------------------	---

Avaliación		
Metodoloxías	Descrición	Cualificación
Sesión maxistral	Se realizará una prueba para evaluar los conocimientos adquiridos durante la realización de las clases magistrales.	30
Seminario	Se evaluará el seminario realizado por el alumno teniendo en cuenta la capacidad para la extracción de lo más relevante del total de la información conseguida, la capacidad para trabajar en grupo y la capacidad para exponer en público.	25
Prácticas de laboratorio	Se evaluará la asistencia regular y la participación activa a las prácticas de laboratorio, así como el boletín de respuestas elaboradas por los alumnos. Se realizará además una prueba para evaluar los conocimientos adquiridos.	45

Observacións avaliación
Podrán optar a MH aquellos alumnos que se evalúen en la primera oportunidad de Junio.

Fontes de información	
Bibliografía básica	
Bibliografía complementaria	

Recomendacións	
Materias que se recomenda ter cursado previamente	
Traballo de Máster/610441022	
Materias que se recomenda cursar simultaneamente	
Dinámica e Estructura de Proteínas/610441011	
Proteómica/610441013	
Xenómica/610441014	
Materias que continúan o temario	
Técnicas Moleculares/610441002	
Observacións	

(*)A Guía docente é o documento onde se visualiza a proposta académica da UDC. Este documento é público e non se pode modificar, salvo casos excepcionais baixo a revisión do órgano competente dacordo coa normativa vixente que establece o proceso de elaboración de guías
