



| Guía Docente | | | | |
|-----------------------|---|--------------------|--|----------|
| Datos Identificativos | | | | 2014/15 |
| Asignatura (*) | Bioinformática | Código | 610475104 | |
| Titulación | | | | |
| Descriptorios | | | | |
| Ciclo | Período | Curso | Tipo | Créditos |
| Mestrado Oficial | 1º cuatrimestre | Primeiro | Obrigatoria | 3 |
| Idioma | CastelánGalegoInglés | | | |
| Prerrequisitos | | | | |
| Departamento | Biología Celular e MolecularTecnoloxías da Información e as Comunicacións | | | |
| Coordinación | Dorado de la Calle, Julian | Correo electrónico | julian.dorado@udc.es | |
| Profesorado | Becerra Fernandez, Manuel Dorado de la Calle, Julian Rodriguez Torres, Ana Maria | Correo electrónico | manuel.becerra@udc.es julian.dorado@udc.es ana.rodriguez.torres@udc.es | |
| Web | webs.uvigo.es/masterbiotecnologiaavanzada/ | | | |
| Descrición xeral | <p>EN LA DOCENCIA DE LA MATERIA PARTICIPA TAMBIÉN EL SIGUIENTE PROFESOR DE LA UVIGO: Carlos Alberto Canchaya Sánchez (e-mail: canchaya@uvigo.es)</p> <p>La realización de experimentos en biología genera cada vez un mayor número de datos. La gestión y análisis de estos datos sería ya imposible sin la utilización de herramientas informáticas dentro de la disciplina de la bioinformática.</p> <p>En la bioinformática se mezclan conocimientos y técnicas de la informática y las matemáticas aplicadas a las ciencias de la vida, en especial la biología.</p> <p>Dentro de la bioinformática se estudia la codificación de datos y su almacenamiento en bases de datos. La disponibilidad y el acceso a bases de datos y la aplicación de distintos algoritmos de procesado de datos.</p> <p>En esta asignatura se verá la aplicación de la bioinformática a distintos ámbitos de la biología molecular desde el análisis de secuencias al estudio de la estructura de proteínas y ácidos nucleicos.</p> | | | |

| Competencias da titulación | |
|----------------------------|----------------------------|
| Código | Competencias da titulación |

| Resultados da aprendizaxe | | | |
|--|----------------------------|------|--|
| Competencias de materia (Resultados de aprendizaxe) | Competencias da titulación | | |
| Poder utilizar y gestionar de forma básica sistemas operativos basados en Unix | AM7 | BM1 | |
| | | BM2 | |
| | | BM3 | |
| | | BM4 | |
| | | BM5 | |
| | | BM11 | |
| | | BM12 | |
| | | BM13 | |
| Ser capaz de acceder y buscar en bases de datos de ácidos nucleicos, proteínas y estructuras | AM3 | BM1 | |
| | AM7 | BM2 | |
| | | BM3 | |
| | | BM4 | |
| | | BM5 | |
| | | BM11 | |
| | | BM12 | |
| | | BM13 | |
| | | BM15 | |



| | | | |
|---|------------|---|------------|
| Ser capaz de alinear y comparar secuencias de ADN y proteínas. | AM3 AM7 | BM1 BM2 BM3 BM4 BM10 BM11 BM12 BM13 BM15 | |
| Poder construir árboles filogenéticos moleculares | AM3 AM7 | BM1 BM2 BM3 BM4 BM5 BM10 BM11 BM12 BM13 BM15 | |
| Saber anotar y ensamblar secuencias | AM7 | BM1 BM2 BM3 BM4 BM5 BM10 BM11 BM12 BM13 | |
| Ser capaz de realizar una predicción de las características unidimensionales y de la estructura tridimensional de una proteína basándose en datos y programas disponibles en la web | AM3 AM7 | BM1 BM2 BM3 BM4 BM5 BM10 BM11 BM12 BM13 BM15 | CM3 CM6 |

| Contidos | |
|---------------------|---|
| Temas | Subtemas |
| Unix | Introducción a los Sistemas Operativos. Comandos básicos. Sistema de archivos. Gestión de archivos y directorios. Otros comandos. |
| Evolución molecular | Homología molecular: sustitución, inserción y delección. Alineamiento múltiple. Modelos de sustitución nucleotídica y aminoacídica. Selección de modelos. Métodos filogenéticos. Reconstrucción de máxima verosimilitud. Error y confianza filogenética. |
| Análisis genómico | Búsquedas en bases de datos: BLAST. Proyectos genoma. Genómica Estructural. Secuenciación. Predicción génica. Anotación Funcional. Genómica Comparativa. |



| | |
|------------------------|--|
| Biología estrutural I | Predicción de características 1 D de proteínas. Modelado por homología. Modelado mediante threading o diseño por homología remota. Métodos ab initio. Docking molecular: Predicción de interacciones proteína-sustrato y proteína-proteína. Evaluación de los métodos de predicción. |
| Biología estrutural II | Predicción de estruturas de RNA. Bases de datos y servidores de programas de análisis de: secuencias, motivos estruturales y estruturas funcionales. |

| Planificación | | | |
|---------------------------|-------------------|---|--------------|
| Metodoloxías / probas | Horas presenciais | Horas non presenciais / traballo autónomo | Horas totais |
| Sesión maxistral | 11 | 5.5 | 16.5 |
| Prácticas a través de TIC | 11 | 16.5 | 27.5 |
| Foro virtual | 0 | 1 | 1 |
| Resumo | 0 | 14 | 14 |
| Proba obxectiva | 2 | 12 | 14 |
| Atención personalizada | 2 | 0 | 2 |

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientativo, considerando a heteroxeneidade do alumnado

| Metodoloxías | |
|---------------------------|--|
| Metodoloxías | Descrición |
| Sesión maxistral | clases de presentación de contenidos, de exercicios y de discusión |
| Prácticas a través de TIC | exercicios en el ordenador |
| Foro virtual | Discusión online |
| Resumo | Informe/memoria razonada sobre los exercicios prácticos realizados en el ordenador durante la clase (a entregar en las 24 horas siguientes a la clase). La extensión será de un máximo de 10 páxinas sobre las actividades prácticas realizadas en cada una de las sesiones (se incluirán capturas de pantalla y texto explicativo). |
| Proba obxectiva | Examen sobre contenidos teóricos o prácticos |

| Atención personalizada | |
|--|--|
| Metodoloxías | Descrición |
| Sesión maxistral Prácticas a través de TIC Foro virtual Proba obxectiva Resumo | Se responderá a las cuestiones particulares de cada alumno |

| Avaliación | | |
|-----------------|--|---------------|
| Metodoloxías | Descrición | Cualificación |
| Proba obxectiva | Se realizará una prueba tipo test para evaluar los conocimientos adquiridos durante la realización de las clases magistrales y las prácticas en ordenador | 25 |
| Resumo | Se evaluará el resumen/informe razonado/memoria sobre los exercicios prácticos en el ordenador realizados en clase. El resumen/informe/memoria se deberá entregar en las 24 horas siguientes a la clase. Cada informe supondrá el 15% de la calificación. Habrá que realizar un informe por cada una de las sesiones, en total 5 informes lo que supone el 75% de la nota. | 75 |

| Observacións avaliación |
|-------------------------|
|-------------------------|



El examen final de la primera oportunidad se realizará el lunes posterior a la finalización de las clases de la materia. Tendrán prioridad para obtener MH aquellos alumnos que se evalúen en la primera oportunidad. En la segunda oportunidad se seguirán los mismos criterios.

Fontes de información

Bibliografía básica

Bibliografía complementaria

Recomendacións

Materias que se recomenda ter cursado previamente

Materias que se recomenda cursar simultaneamente

Materias que continúan o temario

Enxeñaría xenética e transxénese/610475101

Xenómica e Proteómica/610475103

Técnicas de aplicación en biotecnoloxía/610475107

Observacións

Dado que parte de la bibliografía recomendada para esta materia se encuentra en inglés, es aconsejable tener conocimientos de esta lengua, por lo menos, a nivel de comprensión de textos escritos.

(*A Guía docente é o documento onde se visualiza a proposta académica da UDC. Este documento é público e non se pode modificar, salvo casos excepcionais baixo a revisión do órgano competente dacordo coa normativa vixente que establece o proceso de elaboración de guías