		Guía D	ocente			
	Datos Iden	tificativos			2016/17	
Asignatura (*)	Bioinformática Código			Código	610475104	
Titulación	Mestrado Universitario en Biotec	noloxía Avanza	ıda			
	<u>'</u>	Descri	ptores			
Ciclo	Período	Cu	rso	Tipo	Créditos	
Mestrado Oficial	1º cuadrimestre	Prim	neiro	Obrigatoria	3	
Idioma	CastelánGalegoInglés				·	
Modalidade docente	Presencial					
Prerrequisitos						
Departamento	Bioloxía Celular e MolecularTecr	noloxías da Info	rmación e as Con	nunicacións		
Coordinación	Dorado de la Calle, Julian		Correo electró	nico julian.dorado@	dc.es	
Profesorado	Becerra Fernandez, Manuel		Correo electró	nico manuel.beceri	manuel.becerra@udc.es	
	Dorado de la Calle, Julian			julian.dorado@	@udc.es	
	Rodriguez Torres, Ana Maria			ana.rodriguez	torres@udc.es	
Web	masterbiotecnologiaavanzada.com/					
Descrición xeral	EN LA DOCENCIA DE LA MATERIA PARTICIPA TAMBIÉN EL SIGUIENTE PROFESOR DE LA UVIGO:					
	Carlos Alberto Canchaya Sánche	ez (e-mail: cand	haya@uvigo.es)	y José Manuel Castro	Tubío (e-mail: jmctubio@uvigo.es)	
	La realización de experimentos en biología genera cada vez un mayor número de datos. La gestión y análisis de estos			s. La gestión y análisis de estos		
	datos sería ya imposible sin la utilización de herramientas informáticas dentro de la disciplina de la bioinformática.			ciplina de la bioinformática.		
	En la bioinformática se mezclan conocimientos y técnicas de la informática y las matemáticas aplicadas a las ciencias de			náticas aplicadas a las ciencias de		
	la vida, en especial la biología.					
	Dentro de la bioinformática se estudia la codificación de datos y su almacenamiento en bases de datos. La disponibilid			bases de datos. La disponibilidad y		
	el acceso a bases de datos y la a	aplicación de di	stintos algoritmos	de procesado de date	os.	
	En esta asignatura se verá la ap	licación de la bi	oinformática a dis	tintos ámbitos de la b	iología molecular desde el análisis	
	de secuencias al estudio de la estructura de proteínas y ácidos nucleicos.					

	Competencias do título		
Código	Competencias do título		
А3	Coñecer as aplicacións biotecnolóxicas dos microorganismos, plantas e animais e saber manipulalos de cara á súa aplicación		
	biotecnolóxica.		
A7	Saber buscar, obter e interpretar a información das bases de datos biolóxicos: xenómicas, proteómicas, transcriptómicas e		
	metabolómicas e utilizar as ferramentas básicas da bioinformática.		
B1	Capacidade de análise e síntese (localización de problemas e identificación das causas e a súa tipoloxía).		
B2	Capacidade de organización e planificación de todos os recursos (humanos, materiais, información e infraestruturas).		
В3	Capacidade de xestión da información (con apoio de tecnoloxías da información e as comunicacións).		
B4	Capacidade de planificación e elaboración de estudos técnicos en biotecnoloxía microbiana, vexetal e animal.		
B5	Capacidade de identificar problemas, buscar solucións e aplicalas nun contexto biotecnolóxico profesional ou de investigación.		
B10	Capacidade de Traballo nun contexto de sostibilidade, caracterizado por: sensibilidade polo medio ambiente e polos diferentes		
	organismos que o integran así como concienciación polo desenvolvemento sostible.		
B11	Racionamento crítico e respecto profundo pola ética e a integridade intelectual.		
B12	Adaptación a novas situacións legais, ou novidades tecnolóxicas así como a excepcionalidades asociadas a situacións de urxencia.		
B13	Aprendizaxe autónoma.		
B15	Sensibilización cara á calidade, o respecto medioambiental e o consumo responsable de recursos e a recuperación de residuos.		

Resultados da aprendizaxe	
Resultados de aprendizaxe	Competencias do
	título

Identificar las aplicaciones biotecnológicas de los microorganismos, plantas y animales y saber manipularlos de cara a su	AM3	BM1
utilidad en el sector biotecnológico		BM2
		ВМ3
		BM4
		BM5
		BM10
		BM11
		BM12
		BM13
		BM15
Utilizar las bases de datos biológicas para la obtención, análisis e interpretación de la información	AM7	BM1
		BM2
		BM3
		BM4
		BM5
		BM11
		BM12
		BM13
		BM15

	Contidos
Temas	Subtemas
Introducción a la Bioinformática. Unix	Introducción a los Sistemas Operativos. Comandos básicos. Sistema de archivos.
	Gestión de archivos y directorios. Otros comandos.
Evolución molecular	Homología molecular: sustitución, inserción y deleción. Alineamiento múltiple.
	Modelos de sustitución nucleotídica y aminoacídica. Selección de modelos. Métodos
	filogenéticos. Reconstrucción de máxima verosimilitud. Error y confianza filogenética.
Análisis genómico. Necesidad del tratamiento de datos	Búsquedas en bases de datos: BLAST. Proyectos genoma. Genómica Estructural.
biológicos. Bases de datos en Biología Molecular.	Secuenciación. Predicción génica. Anotación Funcional. Genómica Comparativa.
Biología estructural I	Visualización de macromoléculas biológicas. Predicción de características 1 D de
	proteínas: secuencias, dominios. Estructura tridimensional de proteínas. Predicción
	de estructura 3D de proteínas: modelado por homología y modelado mediante
	threading o diseño por homología remota. Métodos ab initio. Docking molecular:
	Predicción de interacciones proteína-sustrato y proteína-proteína. Evaluación de los
	métodos de predicción.
Biología estructural II	Estructura de RNA. Predicción de estructuras de RNA. Bases de datos y servidores
	de programas de análisis de: secuencias, motivos estructurales y estructuras
	funcionales.

	Planificac	ión		
Metodoloxías / probas	Competencias	Horas presenciais	Horas non presenciais / traballo autónomo	Horas totais
Sesión maxistral	A3	11	5.5	16.5
Prácticas a través de TIC	A7 B3 B5 B12	11	16.5	27.5
Foro virtual	B10 B11 B15	0	1	1
Resumo	A3 A7 B2 B3 B4 B5 B10 B11 B12 B13 B15	0	14	14
Proba obxectiva	A7 A3 B1 B5 B13	2	12	14



Atención personalizada		2	0	2
*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientativo, considerando a heteroxeneidade do alumnado				

Metodoloxías			
Metodoloxías	Descrición		
Sesión maxistral	clases de presentación de contenidos, de ejercicios y de discusión		
Prácticas a través de	ejercicios en el ordenador		
TIC			
Foro virtual	Discusión online		
Resumo	Informe/memoria razonada sobre los ejercicios prácticos realizados en el ordenador durante la clase (a entregar en las 24		
	horas siguientes a la clase). La extensión será de un máximo de 10 páginas sobre las actividades prácticas realizadas en		
	cada una de las sesiones (se incluirán capturas de pantalla y texto explicativo).		
Proba obxectiva	Examen sobre contenidos teóricos o prácticos		

	Atención personalizada		
Metodoloxías	Descrición		
Sesión maxistral	Se responderá a las cuestiones particulares de cada alumno		
Prácticas a través de			
TIC			
Foro virtual			
Proba obxectiva			
Resumo			

		Avaliación	
Metodoloxías	Competencias	Descrición Cualifica	
Proba obxectiva	A7 A3 B1 B5 B13	Se realizará una prueba tipo test para evaluar los conocimientos adquiridos durante la	
		realización de las clases magistrales y las prácticas en ordenador	
Resumo	A3 A7 B2 B3 B4 B5	Se evaluará el resumen/informe razonado/memoria sobre los ejercicios prácticos en	75
	B10 B11 B12 B13	el ordenador realizados en clase. El resumen/informe/memoria se deberá entregar en	
	B15	las 24 horas siguientes a la clase. Cada informe supondrá el 15% de la calificación.	
		Habrá que realizar un informe por cada una de las sesiones, en total 5 informes lo	
		que supone el 75% de la nota.	

Observacións avaliación

El examen final de la primera oportunidad se realizará el 20 de diciembre de 16:00 a 17:00 en el aula de docencia. El examen de la segunda oportunidad tendrá lugar el 28 de Junio de 16:00 a 17:00 en el aula de docencia.

Para presentarse al examen de la segunda oportunidad será necesario haber entregado los 5 informes previamente. Tendrán prioridad para obtener MH aquellos alumnos que se evalúen en la primera oportunidad.

	Fontes de información		
Bibliografía básica	Bibliografía básica Arthur M. Lesk (2008). Introduction to Bioinformatics, 3ª edición. Oxford University Press. David W. Mount (2004).		
	Bioinformatics. Sequence and genome analysis, 2ª edición. CSHL Press.		
Bibliografía complementaria			

Recomendacións	
Materias que se recomenda ter cursado previamente	
Enxeñaría xenética e transxénese/610475101	
Xenómica e Proteómica/610475103	
Técnicas de aplicación en biotecnoloxía/610475107	

Materias que se recomenda cursar simultaneamente



Materias que continúan o temario

Observacións

Dado que parte de la bibliografía recomendada para esta materia se encuentra en inglés, es aconsejable tener conocimientos de esta lengua, por lo menos, a nivel de comprensión de textos escritos.

(*)A Guía docente é o documento onde se visualiza a proposta académica da UDC. Este documento é público e non se pode modificar, salvo casos excepcionais baixo a revisión do órgano competente dacordo coa normativa vixente que establece o proceso de elaboración de guías