



Guía Docente				
Datos Identificativos				2016/17
Asignatura (*)	Métodos estadísticos avanzados en bioinformática	Código	614522009	
Titulación				
Descritores				
Ciclo	Período	Curso	Tipo	Créditos
Mestrado Oficial	2º cuatrimestre	Primeiro	Obrigatoria	6
Idioma	CastelánInglés			
Modalidade docente	Presencial			
Prerrequisitos				
Departamento	Matemáticas			
Coordinación	Lopez de Ullibarri Galparsoro, Ignacio	Correo electrónico	ignacio.lopezdeullibarrí@udc.es	
Profesorado	Lopez de Ullibarri Galparsoro, Ignacio	Correo electrónico	ignacio.lopezdeullibarrí@udc.es	
Web				
Descrición xeral	Preténdese proporcionar ó alumnado os coñecementos necesarios para abordar unha selección de problemas importantes en Bioinformática dende unha perspectiva eminentemente estatística/probabilística			

Competencias / Resultados do título	
Código	Competencias / Resultados do título

Resultados da aprendizaxe			
Resultados de aprendizaxe	Competencias / Resultados do título		
Coñecer os principios estadísticos da análise de microarrays de expresión génica	AP5 AP6	BP1 BP2 BP6 BP7	CP3 CP6
Comprender os aspectos estadísticos da construción de árbores filoxenéticas	AP5 AP6	BP1 BP2 BP6 BP7	CP3 CP6
Coñecer os fundamentos dos principais modelos estocásticos empregados en xenética de poboacións	AP5 AP6	BP1 BP2 BP6 BP7	CP3 CP6
Entender as bases probabilísticas e estadísticas dos métodos de análise de secuencias biolóxicas	AP5 AP6	BP1 BP2 BP6 BP7	CP3 CP6

Contidos	
Temas	Subtemas
1. Análise estatística dos microarrays de expresión xénica	Preprocesamento dos datos de microarrays. Multiplicidade dos contrastes de hipóteses nos estudos de expresión xénica diferencial. Análise de conglomerados de mostras e xenos.



2. Árbores filoxenéticas	Modelos de evolución das secuencias de ADN. Construción e estimación de árbores filoxenéticas: métodos baseados nos conceptos de parsimonia, distancia e máxima verosimilitude. Contrastes sobre filoxenias e métodos relacionados.
3. Introducción ós modelos estocásticos en xenética de poboacións	O modelo de Wright-Fisher. O coalescente: o coalescente básico, contrastes da hipótese de neutralidade, extensións do coalescente.
4. Aspectos estatísticos da análise de secuencias biolóxicas	Sistemas de puntuación de alineamentos. Análise da significación estatística de alineamentos de secuencias.

Planificación				
Metodoloxías / probas	Competencias / Resultados	Horas lectivas (presenciais e virtuais)	Horas traballo autónomo	Horas totais
Sesión maxistral	A5 B1 B7	18	40	58
Solución de problemas	B6 B2 C6	12	28	40
Prácticas a través de TIC	A5 A6 B2 C3	12	25	37
Proba mixta	A5	3	0	3
Traballos tutelados	B6	0	10	10
Atención personalizada		2	0	2

\*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientativo, considerando a heteroxeneidade do alumnado

Metodoloxías	
Metodoloxías	Descrición
Sesión maxistral	Exposición oral complementada co uso de medios audiovisuais, coa finalidade de transmitir ó estudante os coñecementos teóricos
Solución de problemas	Seminarios en grupos de tamaño intermedio destinados á resolución de exercicios e problemas
Prácticas a través de TIC	Resolución de supostos prácticos e teóricos mediante a utilización de software estatístico
Proba mixta	Proba con preguntas de tipo test de opcións múltiples e/ou preguntas de resposta breve realizada co fin de avaliar globalmente a adquisición de coñecementos polo estudante
Traballos tutelados	Traballos realizados polo estudante sobre temas relacionados coa materia

Atención personalizada	
Metodoloxías	Descrición
Sesión maxistral Solución de problemas Prácticas a través de TIC Traballos tutelados	A atención personalizada farase mediante titorías presenciais no despacho do profesor

Avaliación			
Metodoloxías	Competencias / Resultados	Descrición	Cualificación
Proba mixta	A5	Proba que constará de preguntas de tipo test con opcións múltiples e/ou con preguntas de breve resposta	75



Traballos tutelados	B6	Traballo optativo realizado polo alumno ou alumna	25
---------------------	----	---	----

### Observacións avaliación

Se procede, poderá ser tido en conta o seguimento obxetivable do curso e a participación activa pola parte do estudante, reflectíndose na calificación con ata un 15% da nota final. A porcentaxe restante da calificación (entre 85% e 100%) dependerá da avaliación da proba mixta e, se procede, do traballo tutelado optativo, e calcularase reescalando se é preciso as porcentaxes que figuran na táboa superior.

### Fontes de información

<b>Bibliografía básica</b>	<ul style="list-style-type: none"><li>- Ewens W J, Grant G R (2005). Statistical Methods in Bioinformatics. Springer</li><li>- Felsenstein J (2004). Inferring Phylogenies. Sinauer</li><li>- Gentleman R, Carey V J, Huber W, Irizarry R A, Dudoit S (eds.) (2005). Bioinformatics and Computational Biology Solutions using R and Bioconductor. Springer</li><li>- Wakeley J (2008). Coalescent Theory. Freeman</li></ul>
<b>Bibliografía complementaria</b>	

### Recomendacións

**Materias que se recomenda ter cursado previamente**

**Materias que se recomenda cursar simultaneamente**

**Materias que continúan o temario**

### Observacións

(\*A Guía docente é o documento onde se visualiza a proposta académica da UDC. Este documento é público e non se pode modificar, salvo casos excepcionais baixo a revisión do órgano competente dacordo coa normativa vixente que establece o proceso de elaboración de guías