



Guía Docente			
Datos Identificativos			2021/22
Asignatura (*)	Métodos estadísticos avanzados en bioinformática	Código	614522009
Titulación			
Descriptores			
Ciclo	Período	Curso	Tipo
Mestrado Oficial	2º cuatrimestre	Primeiro	Obrigatoria
Idioma	CastelánInglés		
Modalidade docente	Presencial		
Prerrequisitos			
Departamento	Matemáticas		
Coordinación	Lopez de Ullibarri Galparsoro, Ignacio	Correo electrónico	ignacio.lopezdeullibarri@udc.es
Profesorado	Lopez de Ullibarri Galparsoro, Ignacio	Correo electrónico	ignacio.lopezdeullibarri@udc.es
Web	www.master.bioinformatica.fic.udc.es		
Descripción xeral	Preténdese proporcionar ó alumnado os coñecementos necesarios para abordar unha selección de problemas importantes en Bioinformática dende unha perspectiva eminentemente estatística/probabilística.		
Plan de continxencia	<p>1. Modificacións nos contidos Ningunha.</p> <p>2. Metodoloxías *Metodoloxías docentes que se modifican Sesión maxistral, Solución de problemas e Prácticas a través de TIC serán impartidas por teledocencia (Teams). A Proba mixta realizarase de modo non presencial por Moodle. A Proba práctica entregarase por Moodle.</p> <p>3. Mecanismos de atención personalizada ao alumnado Atenderanse as consultas do alumnado por correo electrónico dous días por semana. Se fose necesario poderanse facer titorías individuais por Teams concertándoas previamente por correo electrónico.</p> <p>4. Modificacións na avaliación Ningunha.</p> <p>5. Modificacións da bibliografía ou webgrafía Ningunha.</p>		

Competencias / Resultados do título			
Código	Competencias / Resultados do título		
Resultados da aprendizaxe			
Resultados de aprendizaxe		Competencias / Resultados do título	
Coñecer os principios estadísticos da análise de sistemas de altas prestacións para o estudio da expresión xénica		AP5 AP6	BP1 BP2 BP6 BP7
Comprender os aspectos estadísticos da construcción de árbores filoxenéticas		CP3 CP6	AP5 AP6
		BP1 BP2 BP6 BP7	CP3 CP6



Coñecer os fundamentos dos principais modelos estocásticos empregados en xenética de poblacíons	AP5 AP6	BP1 BP2 BP6 BP7	CP3 CP6
Entender as bases probabilísticas e estatísticas dos métodos de análise de secuencias biolóxicas	AP5 AP6	BP1 BP2 BP6 BP7	CP3 CP6

Contidos	
Temas	Subtemas
1. Análise estatística de sistemas de altas prestacións para o estudo da expresión xénica	Xeneralidades sobre o estudo da expresión xénica con microarrays e RNA-seq. Preprocesamento dos datos de microarrays e RNA-seq. Análise de conglomerados de mostras e xenes. Multiplicidade dos contrastes de hipóteses nos estudos de expresión xénica diferencial. Métodos estadísticos para a análise da expresión xénica diferencial con RNA-seq.
2. Árbores filoxenéticas	Modelos de evolución das secuencias de ADN. Construcción e estimación de árbores filoxenéticas: métodos baseados nos conceptos de parsimonia, distancia e máxima verosimilitude. Contrastes sobre filoxenias e métodos relacionados.
3. Introducción ós modelos estocásticos en xenética de poblacíons	O modelo de Wright-Fisher. O coalescente: o coalescente básico, contrastes da hipótese de neutralidade, extensións do coalescente.
4. Aspectos estadísticos da análise de secuencias biolóxicas	Sistemas de puntuación de alineamentos. Análise da significación estadística de alineamentos de secuencias.

Planificación				
Metodoloxías / probas	Competencias / Resultados	Horas lectivas (presenciais e virtuais)	Horas traballo autónomo	Horas totais
Sesión maxistral	A5 B1 B7	18	40	58
Solución de problemas	B2 B6 C6	12	28	40
Prácticas a través de TIC	A5 A6 B2 C3	12	25	37
Proba mixta	A5	3	0	3
Proba práctica	B6	0	10	10
Atención personalizada		2	0	2

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientativo, considerando a heteroxeneidade do alumnado

Metodoloxías	
Metodoloxías	Descripción
Sesión maxistral	Exposición oral complementada co uso de medios audiovisuais, coa finalidade de transmitir ó estudiante os coñecementos teóricos
Solución de problemas	Seminarios en grupos de tamaño intermedio destinados á resolución de exercicios e problemas



Prácticas a través de TIC	Resolución de supuestos prácticos e teóricos mediante a utilización de software estatístico
Proba mixta	Proba con preguntas de tipo test de opcións múltiples e/ou preguntas de resposta breve realizada co fin de evaluar globalmente a adquisición de coñecementos polo estudiante
Proba práctica	Resolución polo estudiante dun caso práctico

Atención personalizada

Metodoloxías	Descripción
Sesión maxistral	A atención personalizada farase mediante tutorías presenciais no despacho do profesor
Solución de problemas	
Prácticas a través de TIC	
Proba práctica	

Avaliación

Metodoloxías	Competencias / Resultados	Descripción	Cualificación
Proba mixta	A5	Proba que constará de preguntas de tipo test con opcións múltiples e/ou con preguntas de breve resposta	65
Proba práctica	B6	Caso práctico resolto polo estudiante	35

Observacións avaliación

Avaliación na primeira oportunidade

Poderá ser tido en conta o seguimento obxetivable do curso e a participación activa pola parte do estudiante, reflectíndose na calificación con ata un 20% da nota final. A porcentaxe restante da calificación (entre 80% e 100%) dependerá da evaluación da Proba mixta e da Proba práctica, e calcularase reescalando se é preciso as porcentaxes que figuran na táboa superior.

Para superar a materia é necesario acadar unha calificación total mínima de 50 puntos, sendo en

todo caso obligatoria a presentación á Proba mixta. Quen non se presente á Proba mixta será calificado como 'non presentado'.

Avaliación na segunda oportunidade

Farase cos mesmos criterios da primeira oportunidade. O alumnado que houbera presentado a Proba práctica na primeira oportunidade conservará a nota obtida na súa avaliación na primeira oportunidade.

O alumnado con recoñecemento de dedicación a tiempo parcial e dispensa académica de exención de asistencia que decida non asistir regularmente ás clases, será evaluado nas dúas oportunidades como o resto do alumnado que se atopa nunha situación similar.

A realización fraudulenta das probas ou actividades de avaliación implicará directamente a cualificación de 0 na convocatoria correspondente.

Fontes de información



Bibliografía básica	<ul style="list-style-type: none">- Deonier R C, Tavaré S, Waterman M S (2005). Computational Genome Analysis. Springer- Ewens W J, Grant G R (2005). Statistical Methods in Bioinformatics. Springer- Felsenstein J (2004). Inferring Phylogenies. Sinauer- Datta S, Nettleton DS (Editores) (2014). Statistical Analysis of Next Generation Sequence Data. Springer- Holmes S, Huber W (2019). Modern Statistics for Modern Biology. Cambridge University Press- Korpelainen E, Tuimala J, Somervuo P, Huss M, Wong G (2014). RNA-seq Data Analysis: A Practical Approach. Chapman&Hall/CRC- Wakeley J (2008). Coalescent Theory. Freeman- R (). Sitio web programa R. https://cran.r-project.org/- Bioconductor Project (). Sitio web Bioconductor. https://www.bioconductor.org/
Bibliografía complementaria	

Recomendacións

Materias que se recomienda ter cursado previamente

Materias que se recomienda cursar simultaneamente

Materias que continúan o temario

Observacións

(*)A Guía docente é o documento onde se visualiza a proposta académica da UDC. Este documento é público e non se pode modificar, salvo casos excepcionais baixo a revisión do órgano competente dacordo coa normativa vixente que establece o proceso de elaboración de guías