		Guia	docente		
	Datos Identificativos			2022/23	
Asignatura (*)	Métodos estadísticos avanzados e	en bioinforma	ática	Código	614522009
Titulación	Mestrado Universitario en Bioinfor	rmática para	Ciencias da Saúde		
		Desc	criptores		
Ciclo	Periodo	С	urso	Tipo	Créditos
Máster Oficial	2º cuatrimestre	Pr	imero	Obligatoria	6
Idioma	CastellanoInglés		,		
Modalidad docente	Presencial				
Prerrequisitos					
Departamento	Matemáticas				
Coordinador/a	Lopez de Ullibarri Galparsoro, Ignacio Correo electrónico ignacio.lopezdeullibarri@udc.es				
Profesorado	Lopez de Ullibarri Galparsoro, Ignacio Correo electrónico ignacio.lopezdeullibarri@udc.es		eullibarri@udc.es		
Web	www.master.bioinformatica.fic.udo	c.es		1	
Descripción general	Se pretende proporcionar al alum	nado los con	ocimientos necesarios p	ara abordar una s	selección de problemas
	importantes en Bioinformática des	sde una pers	pectiva eminentemente e	estadística/probab	pilística.

	Competencias / Resultados del título
Código	Competencias / Resultados del título
A5	CE5 - Desarrollo de habilidades en el manejo de técnicas estadísticas y su aplicación a conjuntos de datos del campo de la Bioinformática
A6	CE6 - Capacidad para identificar las herramientas software y fuentes de datos de bioinformática más relevantes, y adquirir destreza en su uso
B1	CB6 - Poseer y comprender conocimientos que aporten una base u oportunidad de ser originales en el desarrollo y/o aplicación de ideas, a menudo en un contexto de investigación
B2	CB7 - Que los estudiantes sepan aplicar los conocimientos adquiridos y su capacidad de resolución de problemas en entornos nuevos o poco conocidos dentro de contextos más amplios (o multidisciplinares) relacionados con su área de estudio
В6	CG1 - Buscar y seleccionar la información útil necesaria para resolver problemas complejos, manejando con soltura las fuentes bibliográficas del campo
В7	CG2 - Mantener y extender planteamientos teóricos fundados para permitir la introducción y explotación de tecnologías nuevas y avanzadas
C3	CT3 - Utilizar las herramientas básicas de las tecnologías de la información y las comunicaciones (TIC) necesarias para el ejercicio de su profesión y para el aprendizaje a lo largo de su vida
C6	CT6 - Valorar críticamente el conocimiento, la tecnología y la información disponible para resolver los problemas con los que deben enfrentarse

Resultados de aprendizaje			
Resultados de aprendizaje	Con	npetenc	ias /
	Result	ados de	el título
Conocer los principios estadísticos del análisis de sistemas de altas prestaciones para el estudio de la expresión génica	AP5	BP1	CP3
	AP6	BP2	CP6
		BP6	
		BP7	
Comprender los aspectos estadísticos de la construcción de árboles filogenéticos	AP5	BP1	CP3
	AP6	BP2	CP6
		BP6	
		BP7	

Conocer los fundamentos de los principales modelos estocásticos empleados en genética de poblaciones	AP5	BP1	CP3
	AP6	BP2	CP6
		BP6	
		BP7	
Entender las bases probabilísticas y estadísticas de los métodos de análisis de secuencias biológicas	AP5	BP1	CP3
	AP6	BP2	CP6
		BP6	
		BP7	

	Contenidos
Tema	Subtema
1. Análisis estadístico de sistemas de altas prestaciones para	Generalidades sobre el estudio de la expresión génica con microarrays y RNA-seq.
el estudio de la expresión génica	Preprocesamiento de los datos de microarrays y RNA-seq.
	Análisis de conglomerados de muestras y genes.
	Multiplicidad de los contrastes de hipótesis en los estudios de expresión génica
	diferencial.
	Métodos estadísticos para el análisis de la expresión génica diferencial con RNA-seq.
2. Árboles filogenéticos	Modelos de evolución de las secuencias de ADN.
	Construcción y estimación de árboles filogenéticos: métodos basados en los
	conceptos de parsimonia, distancia y máxima verosimilitud.
	Contrastes sobre filogenias y métodos relacionados.
3. Introducción a los modelos estocásticos en genética de	El modelo de Wright-Fisher.
poblaciones	El coalescente: el coalescente básico, contrastes de la hipótesis de neutralidad,
	extensiones del coalescente.
4. Aspectos estadísticos del análisis de secuencias biológicas	Sistemas de puntuación de alineamientos.
	Análisis de la significación estadística de alineamientos de secuencias.

	Planificac	ión		
Metodologías / pruebas	Competencias /	Horas lectivas	Horas trabajo	Horas totales
	Resultados	(presenciales y	autónomo	
		virtuales)		
Sesión magistral	A5 B1 B7	18	40	58
Solución de problemas	B2 B6 C6	12	28	40
Prácticas a través de TIC	A5 A6 B2 C3	12	25	37
Prueba mixta	A5	3	0	3
Prueba práctica	B6	0	10	10
Atención personalizada		2	0	2

	Metodologías
Metodologías	Descripción
Sesión magistral	Exposición oral complementada con el uso de medios audiovisuales, con la finalidad de transmitir al estudiante los conocimientos teóricos
Solución de problemas	Seminarios en grupos de tamaño intermedio destinados a la resolución de ejercicios y problemas
Prácticas a través de TIC	Resolución de supuestos prácticos y teóricos mediante la utilización de software estadístico

Prueba mixta	Prueba con preguntas de tipo test de opciones múltiples y/o preguntas de respuesta breve realizada con el fin de evaluar
	globalmente la adquisición de conocimientos por el estudiante
Prueba práctica	Resolución por el estudiante de un caso práctico

	Atención personalizada			
Metodologías	Descripción			
Sesión magistral	La atención personalizada se hará mediante tutorías presenciales en el despacho del profesor			
Solución de				
problemas				
Prácticas a través de				
TIC				
Prueba práctica				

		Evaluación	
Metodologías	Competencias /	Descripción	Calificación
	Resultados		
Prueba mixta	A5	Prueba que constará de preguntas de tipo test con opciones múltiples y/o con	65
		preguntas de breve respuesta	
Prueba práctica	B6	Caso práctico resolto polo estudiante	35

Observaciones evaluación

Evaluación en la primera oportunidad

Podrá ser tenido en cuenta el seguimiento objetivable del curso y la

participación activa por parte del estudiante, reflejándose en la calificación con hasta un 20% de la nota final. El porcentaje restante de la calificación (entre el 80% y el 100%) dependerá de la evaluación de la Prueba mixta y de la Prueba práctica, y se calculará reescalando si es preciso los porcentajes que figuran en la tabla superior.

Para superar la

asignatura es

necesario alcanzar una calificación total mínima de 50 puntos, siendo en

todo caso obligatoria la presentación a la Prueba mixta. Quien no se

presente a la Prueba mixta será calificado como 'no presentado'.

Evaluación en la segunda oportunidad

Se hará con los mismos criterios de la primera oportunidad. El alumnado que hubiera presentado la Prueba práctica en la primera oportunidad conservará la nota obtenida en su evaluación en la primera oportunidad.

El alumnado con reconocimiento de dedicación a tiempo

parcial y

dispensa académica de exención de asistencia que decida no asistir regularmente a las clases, será

evaluado en las dos oportunidades como el resto de alumnado que se encuentra en una

situación similar.

La realización fraudulenta de las pruebas o actividades de evaluación, una vez comprobada,

implicará directamente la calificación de suspenso (0) en la convocatoria

correspondiente, invalidando así cualquier calificación obtenida en todas las actividades de evaluación.

Fuentes de información

Básica	- Deonier R C, Tavaré S, Waterman M S (2005). Computational Genome Analysis. Springer	
	- Ewens W J, Grant G R (2005). Statistical Methods in Bioinformatics. Springer	
	Felsenstein J (2004). Inferring Phylogenies. Sinauer	
	- Datta S, Nettleton DS (Editores) (2014). Statistical Analysis of Next Generation Sequence Data. Springer	
	- Holmes S, Huber W (2019). Modern Statistics for Modern Biology. Cambridge University Press	
	- Korpelainen E, Tuimala J, Somervuo P, Huss M, Wong G (2014). RNA-seq Data Analysis: A Practical Approach.	
	Chapman&Hall/CRC	
	- Wakeley J (2008). Coalescent Theory. Freeman	
	- R (). Sitio web programa R. https://cran.r-project.org/	
	- Bioconductor Project (). Sitio web Bioconductor. https://www.bioconductor.org/	
Complementária		

Recomendaciones
Asignaturas que se recomienda haber cursado previamente
Asignaturas que se recomienda cursar simultáneamente
Asignaturas que continúan el temario
Otros comentarios

(*) La Guía Docente es el documento donde se visualiza la propuesta académica de la UDC. Este documento es público y no se puede modificar, salvo cosas excepcionales bajo la revisión del órgano competente de acuerdo a la normativa vigente que establece el proceso de elaboración de guías