		Guía D	ocente		
	Datos Iden	tificativos			2015/16
Asignatura (*)	Bioinformática Código		610475104		
Titulación	Mestrado Universitario en Biotec	noloxía Avanza	ada		
		Descr	iptores		
Ciclo	Período	Cu	rso	Tipo	Créditos
Mestrado Oficial	1º cuadrimestre	Prin	neiro	Obrigatoria	3
Idioma	CastelánGalegolnglés		'		
Modalidade docente	Presencial				
Prerrequisitos					
Departamento	Bioloxía Celular e MolecularTecnoloxías da Información e as Comunicacións				
Coordinación	Dorado de la Calle, Julian		Correo electróni	co julian.dorado@u	dc.es
Profesorado	Becerra Fernandez, Manuel		Correo electróni	co manuel.becerra	@udc.es
	Dorado de la Calle, Julian			julian.dorado@u	dc.es
	Rodriguez Torres, Ana Maria		ana.rodriguez.to	ana.rodriguez.torres@udc.es	
Web	mba.uvigo.es/				
Descrición xeral	EN LA DOCENCIA DE LA MATE	ERIA PARTICIP	A TAMBIÉN EL SIG	UIENTE PROFESOR	DE LA UVIGO:
	Carlos Alberto Canchaya Sánchez (e-mail: canchaya@uvigo.es) La realización de experimentos en biología genera cada vez un mayor número de datos. La gestión y análisis de estos datos sería ya imposible sin la utilización de herramientas informáticas dentro de la disciplina de la bioinformática. En la bioinformática se mezclan conocimientos y técnicas de la informática y las matemáticas aplicadas a las ciencias de la vida, en especial la biología.				
Dentro de la bioinformática se estudia la codificación de datos y su almacenamiento en bases de datos. La d			ases de datos. La disponibilidad v		
	el acceso a bases de datos y la		-		
	En esta asignatura se verá la aplicación de la bioinformática a distintos ámbitos de la biología molecular desde el aná de secuencias al estudio de la estructura de proteínas y ácidos nucleicos.				

	Competencias do título
Código	Competencias do título
А3	Coñecer as aplicacións biotecnolóxicas dos microorganismos, plantas e animais e saber manipulalos de cara á súa aplicación
	biotecnolóxica.
A7	Saber buscar, obter e interpretar a información das bases de datos biolóxicos: xenómicas, proteómicas, transcriptómicas e
	metabolómicas e utilizar as ferramentas básicas da bioinformática.
B1	Capacidade de análise e síntese (localización de problemas e identificación das causas e a súa tipoloxía).
B2	Capacidade de organización e planificación de todos os recursos (humanos, materiais, información e infraestruturas).
В3	Capacidade de xestión da información (con apoio de tecnoloxías da información e as comunicacións).
B4	Capacidade de planificación e elaboración de estudos técnicos en biotecnoloxía microbiana, vexetal e animal.
B5	Capacidade de identificar problemas, buscar solucións e aplicalas nun contexto biotecnolóxico profesional ou de investigación.
B10	Capacidade de Traballo nun contexto de sostibilidade, caracterizado por: sensibilidade polo medio ambiente e polos diferentes
	organismos que o integran así como concienciación polo desenvolvemento sostible.
B11	Racionamento crítico e respecto profundo pola ética e a integridade intelectual.
B12	Adaptación a novas situacións legais, ou novidades tecnolóxicas así como a excepcionalidades asociadas a situacións de urxencia.
B13	Aprendizaxe autónoma.
B15	Sensibilización cara á calidade, o respecto medioambiental e o consumo responsable de recursos e a recuperación de residuos.
C3	Utilizar as ferramentas básicas das tecnoloxías da información e as comunicacións (TIC) necesarias para o exercicio da súa profesión e
	para a aprendizaxe ao longo da súa vida.
C6	Valorar criticamente o coñecemento, a tecnoloxía e a información dispoñible para resolver os problemas cos que deben enfrontarse.

Resultados da aprendizaxe

Resultados de aprendizaxe	Com	petencias do
		título
Poder utilizar y gestionar de forma básica sistemas operativos basados en Unix	AM7	BM1
		BM2
		BM3
		BM4
		BM5
		BM11
		BM12
		BM13
Ser capaz de acceder y buscar en bases de datos de ácidos nucleicos, proteínas y estructuras	AM3	BM1
,,,,,,,,,,,,,,	AM7	BM2
	7	BM3
		BM4
		BM5
		BM11
		BM12
		BM13
		BM15
Ser capaz de alinear y comparar secuencias de ADN y proteínas.	AM3	BM1
	AM7	BM2
		BM3
		BM4
		BM10
		BM11
		BM12
		BM13
		BM15
Poder construir árboles filogenéticos moleculares	AM3	BM1
	AM7	BM2
		ВМ3
		BM4
		BM5
		BM10
		BM11
		BM12
		BM13
		BM15
Note and the second sec	A N 4 7	
Saber anotar y ensamblar secuencias	AM7	BM1
		BM2
		BM3
		BM4
		BM5
		BM10
		BM11
		BM12
		BM13

Ser capaz de realizar una predicción de las características unidimensionales y de la estructura tridimensional de una proteína	AM3	BM1	СМЗ
basándose en datos y programas disponibles en la web	AM7	BM2	CM6
		ВМ3	
		BM4	
		BM5	
		BM10	
		BM11	
		BM12	
		BM13	
		BM15	

	Contidos
Temas	Subtemas
Unix	Introducción a los Sistemas Operativos. Comandos básicos. Sistema de archivos.
	Gestión de archivos y directorios. Otros comandos.
Evolución molecular	Homología molecular: sustitución, inserción y deleción. Alineamiento múltiple.
	Modelos de sustitución nucleotídica y aminoacídica. Selección de modelos. Métodos
	filogenéticos. Reconstrucción de máxima verosimilitud. Error y confianza filogenética.
Análisis genómico	Búsquedas en bases de datos: BLAST. Proyectos genoma. Genómica Estructural.
	Secuenciación. Predicción génica. Anotación Funcional. Genómica Comparativa.
Biología estructural I	Predicción de características 1 D de proteínas. Modelado por homología. Modelado
	mediante threading o diseño por homología remota. Métodos ab initio. Docking
	molecular: Predicción de interacciones proteína-sustrato y proteína-proteína.
	Evaluación de los métodos de predicción.
Biología estructural II	Predicción de estructuras de RNA. Bases de datos y servidores de programas de
	análisis de: secuencias, motivos estructurales y estructuras funcionales.

	Planificad	ción		
Metodoloxías / probas	Competencias	Horas presenciais	Horas non presenciais / traballo autónomo	Horas totais
Sesión maxistral	A3	11	5.5	16.5
Prácticas a través de TIC	A7 B3 B5 B12 C3	11	16.5	27.5
Foro virtual	B10 B11 B15	0	1	1
Resumo	B2 B4 C6	0	14	14
Proba obxectiva	B1 B13	2	12	14
Atención personalizada		2	0	2
*Os datos que aparecen na táboa de planifica	ción son de carácter orienta	ativo, considerando a h	eteroxeneidade do alum	ınado

	Metodoloxías	
Metodoloxías	Descrición	
Sesión maxistral	clases de presentación de contenidos, de ejercicios y de discusión	
Prácticas a través de	de ejercicios en el ordenador	
TIC		
Foro virtual	Discusión online	
Resumo	Informe/memoria razonada sobre los ejercicios prácticos realizados en el ordenador durante la clase (a entregar en las 24 horas siguientes a la clase). La extensión será de un máximo de 10 páginas sobre las actividades prácticas realizadas en cada una de las sesiones (se incluirán capturas de pantalla y texto explicativo).	
Proba obxectiva	Examen sobre contenidos teóricos o prácticos	

Atención personalizada		
Metodoloxías	Descrición	
Sesión maxistral	Se responderá a las cuestiones particulares de cada alumno	
Prácticas a través de		
TIC		
Foro virtual		
Proba obxectiva		
Resumo		

Avaliación			
Metodoloxías	Competencias	Descrición	Cualificación
Proba obxectiva	B1 B13	Se realizará una prueba tipo test para evaluar los conocimientos adquiridos durante la	25
		realización de las clases magistrales y las prácticas en ordenador	
Resumo	B2 B4 C6	Se evaluará el resumen/informe razonado/memoria sobre los ejercicios prácticos en	75
		el ordenador realizados en clase. El resumen/informe/memoria se deberá entregar en	
		las 24 horas siguientes a la clase. Cada informe supondrá el 15% de la calificación.	
		Habrá que realizar un informe por cada una de las sesiones, en total 5 informes lo	
		que supone el 75% de la nota.	

Observacións avaliación

El examen final de la primera oportunidad se realizará el lunes posterior a la finalización de las clases de la materia.

Tendrán prioridad para obtener MH aquellos alumnos que se evalúen en la primera oportunidad. En la segunda oportunidad se seguirán los mismos criterios.

	Fontes de información
Bibliografía básica Arthur M. Lesk (2008). Introduction to Bioinformatics, 3ª edición. Oxford University Press. David W. Mount (2004).	
	Bioinformatics. Sequence and genome analysis, 2ª edición. CSHL Press.
Bibliografía complementaria	

	Recomendacións
	Materias que se recomenda ter cursado previamente
Enxeñaría xenética e transxénese	x/610475101
Xenómica e Proteómica/6104751	03
Técnicas de aplicación en biotecn	oloxía/610475107
	Materias que se recomenda cursar simultaneamente
	Materias que continúan o temario
	Observacións
Dado que parte de la bibliografi	ía recomendada para esta materia se encuentra en inglés, es aconsejable tener conocimientos de esta lengua, por

(*)A Guía docente é o documento onde se visualiza a proposta académica da UDC. Este documento é público e non se pode modificar, salvo casos excepcionais baixo a revisión do órgano competente dacordo coa normativa vixente que establece o proceso de elaboración de guías

lo menos, a nivel de comprensión de textos escritos.