

Guía Docente							
Datos Identificativos 2019/20							
Asignatura (*)	Xenómica			Código	614522006		
Titulación	Mestrado Universitario en Bioinfor	mática para C	iencias da Saúde	e			
		Descri	ptores				
Ciclo	Período	Cu	rso		Тіро	Créditos	
Mestrado Oficial	1º cuadrimestre	Prim	neiro		Optativa	6	
Idioma	Castelán						
Modalidade docente	Presencial						
Prerrequisitos							
Departamento	Bioloxía						
Coordinación	Vila Taboada, Marta Correo electrónico marta.vila.taboada@udc.es			da@udc.es			
Profesorado	Becerra Fernandez, Manuel		Correo electrónico manuel.becerra		manuel.becerra	@udc.es	
	Cerdan Villanueva, Maria Esperanza		esper.cerdan@u		esper.cerdan@u	ldc.es	
	Vila Taboada, Marta		marta.vila.taboa		marta.vila.taboa	da@udc.es	
	Vizoso Vázquez, Ángel José			a.vizoso@udc.es		S	
Web							
Descrición xeral	Denomínase xenómica ao conxun	to de ciencias	e técnicas dedic	adas a	o estudo integral	do funcionamento, a evolución e	
	a orixe dos xenomas. A xenómica usa coñecementos derivados de distintas ciencias como son: xenética, bioloxía				no son: xenética, bioloxía		
	molecular, bioquímica, informática, estatística, matemáticas, física, etc.						
A diferenza da xenética clásica que a partir dun fenotipo, xeralmente mutante, busca o ou os xenes responsables d				u os xenes responsables de			
	devandito fenotipo, a xenómica ten como obxectivo predicir a función dos xenes a partir da súa secuencia ou das súa				da súa secuencia ou das súas		
	interaccións con outros xenes.						
	As ciencias xenómicas están en p	lena expansió	n, sobre todo gra	azas ás	tecnoloxías avan	zadas de secuenciación de ADN	
	e aos avances en bioinformática.						
Plan de continxencia							

	Competencias do título
Código	Competencias do título
A8	CE8 - Comprender a base da información do material hereditario, a súa transmisión, análise e evolución
A9	CE9 - Entender os beneficios e comprender os problemas asociados a secuenciación e ao uso de secuencias biolóxicas, así como
	coñecer as estruturas e técnicas para o seu procesamento
B1	CB6 ? Posuír e comprender o coñecemento que fornecen unha base ou oportunidade de orixinalidade no desenvolvemento e / ou
	aplicación de ideas, a miúdo nun contexto de investigación.
B2	CB7 - Que os estudantes saiban aplicar os coñecementos adquiridos e a súa capacidade de resolución de problemas en contornas novas
	ou pouco coñecidas dentro de contextos máis amplos (ou multidisciplinares) relacionados coa súa área de estudo
B5	CB10 ? Que os estudantes posúan as habilidades de aprendizaxe que lles permitan continuar estudando dun xeito que terá de ser en
	gran parte auto-orientado ou autónomo.
B6	CG1 - Buscar e seleccionar a información útil necesaria para resolver problemas complexos, manexando con soltura as fontes
	bibliográficas do campo
B7	CG2 - Manter e estender enfoques teóricos fundados para permitir a introdución i explotación de tecnoloxías novas e avanzadas
B8	CG3 - Ser capaz de traballar en equipa, en especial de carácter interdisciplinar
C1	CT1 - Expresarse correctamente, tanto de xeito oral como escrito, nas linguas oficiais da comunidade autónoma
C2	CT2 - Dominar a expresión e a comprensión de xeito oral e escrito dun idioma estranxeiro
C3	CT3 - Utilizar as ferramentas básicas das tecnoloxías da información e as comunicacións (TIC) necesarias para o exercicio da súa
	profesión e para a aprendizaxe ao longo da súa vida
C7	CT7 - Manter e asentar estratexias encamiñadas a actualización científica como criterio de mellora profesional.
C8	CT8 - Valorar a importancia que ten a investigación, a innovación e o desenvolvemento tecnolóxico no avance socioeconómico e cultural
	da sociedade



Resultados da aprendizaxe			
Resultados de aprendizaxe	Com	petencia	as do
		título	
Utilizar ferramentas moleculares para o coñecemento do xenoma de diversos organismos	AP8		
	AP9		
Comprender o estado actual do coñecemento no eido da xenómica estrutural, funcional e evolutiva	AP8	BP1	CP8
		BP2	
Deseñar, interpretar e analizar experimentos e datos de microarrays de ADN		BP6	CP2
		BP7	CP3
Comprender os mecanismos de evolución dos xenomas e das ferramentas moleculares e bioinformáticas para o seu estudo		BP5	CP1
		BP8	CP7

Temas Subtemas Introdución: da Xenética Molecular à Xenómica Marcadores moleculares Aplicacións das tecnoloxías de ADN recombinante PCR Secuenciación Sanger PCR PCR cuantitativa en tempo real Teónicas de edición do ADN O proxecto Xenoma Humano Teónicas de edición do ADN Next Generation Sequencing (NGS) Intrarías paired-end Intrarías paired-end Ficheiros de datos Whole Genome Sequencing Librarías mate-pair Anotación Xenómica comparada Paleoxenómica Paleoxenómica Metaxenómica Aplicacións Xenómica colino: Amplicon-seq Panel-seq Hibridiación xenómica comparada (CGH) Farmacoxenómica Serue esciente testing Single Nucleotide Polymorphisms (SNPs) Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testing Setudo dra os visor xenómica e NGS Extracícios prácticos Introdución ao visor xenómico IGV	Contidos				
Introdución: da Xenética Molecular á Xenómica Marcadores moleculares Aplicacións das tecnoloxías de ADN recombinante PCR Secuenciación Sanger PCR cuantitativa en tempo real Técnicas de edición do ADN Técnicas de secuenciación de xenomas O proxecto Xenoma Humano Técnicas de secuenciación de xenomas Next Generation Sequencing (NGS) Plataformas Librarías paíred-end Ficheiros de datos Whole Genome Sequencing Anotación Xenómica comparada Paleoxenómica Paleoxenómica Aplicacións Xenómica clínica Aplicación seq Yenel-seq Exome-seq Hibridación xenómica Amplicon-seq Single Nucleotide Polymorphisms (SNPs) Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testing Digital genetic testing Xenómica funcional Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS Epixenómica Intodución a visor xenómica IGV	Temas	Subtemas			
Aplicacións das tecnoloxías de ADN recombinante PCR Secuenciación Sanger PCR cuantitativa en tempo real Técnicas de edición do ADN O proxecto Xenoma Humano Técnicas de secuenciación de xenomas Next Generation Sequencing (NGS) Plataformas Librarías paired-end Ficheiros de datos Whole Genome Sequencing Librarías mate-pair Anotación Xenómica comparada Paleoxenómica Aplicacións Xenómica clínica Aplicación sequencing Metaxenómica Aplicacións Xenómica clínica Genome sequencing Xibrarías mate-pair Anotación Xenómica clínica Paleoxenómica Yenel-seq Paleoxenómica Yenel-seq Exome-seq Hibridación xenómica comparada (CGH) Panel-seq Farmacoxenómica Digital genetic testing Xenómica funcional Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS Digital genetic testing Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS Epixenómica Fixedución a visor xenómica IGV	Introdución: da Xenética Molecular á Xenómica	Marcadores moleculares			
PCR Secuenciación Sanger PCR cuantitativa en tempo real Técnicas de edición do ADN O proxecto Xenoma Humano Técnicas de secuenciación de xenomas Next Generation Sequencing (NGS) Plataformas Librarias paired-end Ficheiros de datos Whole Genome Sequencing Librarias mate-pair Anotación Xenómica comparada Paleoxenómica Aplicacións Xenómica colínica Aplicacións Metaxenómica Aplicacións Xenómica comparada Panel-seq Panel-seq Hibridación xenómica comparada (CGH) Farmacoxenómica Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testing Digital genetic testing Xenómica funcional Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS		Aplicacións das tecnoloxías de ADN recombinante			
Secuenciación Sanger PCR cuantitativa en tempo real Técnicas de edición do ADN O proxecto Xenoma Humano Técnicas de secuenciación de xenomas Next Generation Sequencing (NGS) Plataformas Librarías paired-end Ficheiros de datos Whole Genome Sequencing Librarías mate-pair Anotación Xenómica comparada Paleoxenómica Aplicacións Xenómica clínica Aplicación Xenómica clínica Aplicación xenómica comparada (CGH) Farmacoxenómica Farmacoxenómica comparada (CGH) Single Nucleotide Polymorphisms (SNPs) Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testing Zenome: microarrais e NGS Xenómica funcional Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS Epixenómica Introdución ao visor xenómico IGV		PCR			
PCR cuantitativa en tempo real Técnicas de edición do ADN O proxecto Xenoma Humano Técnicas de secuenciación de xenomas Next Generation Sequencing (NGS) Plataformas Librarías paired-end Librarías paired-end Ficheiros de datos Librarías mate-pair Anotación Xenómica comparada Paleoxenómica Aplicacións Xenómica clínica Aplicacións Xenómica comparada Paleoxenómica Yene-seq Hibridación xenómica comparada (CGH) Farmacxenómica Genome wide association studies (GWAS) Single Nucleotide Polymorphisms (SNPs) Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testing Ligation au visor xenómicoa Fico Xenómica funcional Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS Epixenómica Epixenómica		Secuenciación Sanger			
Técnicas de edición do ADN O proxecto Xenoma Humano Técnicas de secuenciación de xenomas Next Generation Sequencing (NGS) Plataformas Librarías paired-end Ficheiros de datos Whole Genome Sequencing Librarías mate-pair Anotación Xenómica comparada Paleoxenómica Aplicacións Metaxenómica Aplicacións Xenómica clínica Amplicon-seq Panel-seq Exome-seq Hibridación xenómica Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testing Digital genetic testing Xenómica funcional Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS Epixenómica Introdución ao visor xenómico IGV		PCR cuantitativa en tempo real			
O proxecto Xenoma Humano Técnicas de secuenciación de xenomas Next Generation Sequencing (NGS) Plataformas Librarías paired-end Ficheiros de datos Whole Genome Sequencing Librarías mate-pair Anotación Xenómica comparada Paleoxenómica Aplicacións Metaxenómica Aplicacións Xenómica clínica Amplicon-seq Panel-seq Exom-seq Hibridación xenómica Farmacoxenómica Single Nucleotide Polymorphisms (SNPs) Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testing Studo do transcriptoma: microarrais e NGS Exercicios prácticos Introdución ao visor xenómico IGV		Técnicas de edición do ADN			
Next Generation Sequencing (NGS) Plataformas Librarías paired-end Ficheiros de datos Whole Genome Sequencing Librarías mate-pair Anotación Xenómica comparada Paleoxenómica Aplicacións Metaxenómica clínica Aplicacións Xenómica clínica Amplicon-seq Panel-seq Exome-seq Hibridación xenómica Farmacoxenómica Single Nucleotide Polymorphisms (SNPs) Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testing Jigital genetic testing Xenómica funcional Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS Epixenómica Introductión ao visor xenómico IGV	O proxecto Xenoma Humano	Técnicas de secuenciación de xenomas			
Librarías paired-end Ficheiros de datos Whole Genome Sequencing Librarías mate-pair Anotación Xenómica comparada Paleoxenómica Paleoxenómica Metaxenómica Aplicacións Xenómica clínica Amplicon-seq Panel-seq Exome-seq Hibridación xenómica comparada (CGH) Farmacoxenómica Single Nucleotide Polymorphisms (SNPs) Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testing Digital genetic testing Xenómica funcional Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS Exercicios prácticos Introdución ao visor xenómico IGV	Next Generation Sequencing (NGS)	Plataformas			
Ficheiros de datosWhole Genome SequencingLibrarías mate-pair Anotación Xenómica comparada PaleoxenómicaMetaxenómicaAplicaciónsXenómica clínicaAplicaciónsXenómica clínicaAmplicon-seq Panel-seq Exome-seq Hibridación xenómicaSingle Nucleotide Polymorphisms (SNPs)Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testingXenómica functionalEstudo do transcriptoma: microarrais e NGS EpixenómicaExercicios prácticosIntrodución ao visor xenómico IGV		Librarías paired-end			
Whole Genome SequencingLibrarías mate-pair Anotación Xenómica comparada PaleoxenómicaMetaxenómicaAplicaciónsMetaxenómica clínicaAplicaciónsXenómica clínicaAmplicon-seq Panel-seq Exome-seq Hibridación xenómicaSingle Nucleotide Polymorphisms (SNPs)Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testingXenómica funcionalEstudo do transcriptoma: microarrais e NGS EpixenómicaExercicios prácticosIntrodución ao visor xenómico IGV		Ficheiros de datos			
Anotación Xenómica comparada PaleoxenómicaMetaxenómicaAplicaciónsXenómica clínicaAmplicon-seq Panel-seq Exome-seq Hibridación xenómica comparada (CGH) FarmacoxenómicaSingle Nucleotide Polymorphisms (SNPs)Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testingXenómica funcionalEstudo do transcriptoma: microarrais e NGS EpixenómicaExercicios prácticosIntrodución ao visor xenómico IGV	Whole Genome Sequencing	Librarías mate-pair			
Xenómica comparada PaleoxenómicaMetaxenómicaAplicaciónsXenómica clínicaAmplicon-seq Panel-seq Exome-seq Hibridación xenómica comparada (CGH) FarmacoxenómicaSingle Nucleotide Polymorphisms (SNPs)Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testingXenómica funcionalEstudo do transcriptoma: microarrais e NGS EpixenómicaExercicios prácticosIntrodución ao visor xenómico IGV		Anotación			
PaleoxenómicaMetaxenómicaAplicaciónsXenómica clínicaAmplicon-seqPanel-seqFamel-seqHibridación xenómica comparada (CGH)FarmacoxenómicaSingle Nucleotide Polymorphisms (SNPs)Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testingXenómica funcionalEstudo do transcriptoma: microarrais e NGS EpixenómicaExercicios prácticosIntrodución ao visor xenómico IGV		Xenómica comparada			
Metaxenómica Aplicacións Xenómica clínica Amplicon-seq Panel-seq Exome-seq Hibridación xenómica comparada (CGH) Farmacoxenómica Single Nucleotide Polymorphisms (SNPs) Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testing Digital genetic testing Xenómica funcional Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS Exercicios prácticos Introdución ao visor xenómico IGV		Paleoxenómica			
MetaxenómicaAplicaciónsXenómica clínicaAmplicon-seq Panel-seq Exome-seq Hibridación xenómica comparada (CGH) FarmacoxenómicaSingle Nucleotide Polymorphisms (SNPs)Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testingXenómica funcionalEstudo do transcriptoma: microarrais e NGS EpixenómicaExercicios prácticosIntrodución ao visor xenómico IGV					
Xenómica clínicaAmplicon-seqPanel-seqExome-seqHibridación xenómica comparada (CGH)FarmacoxenómicaSingle Nucleotide Polymorphisms (SNPs)Genome wide association studies (GWAS)Xenómica funcionalEstudo do transcriptoma: microarrais e NGSXenómicaEstudo do transcriptoma: microarrais e NGSExercicios prácticosIntrodución ao visor xenómico IGV	Metaxenómica	Aplicacións			
Panel-seqExome-seqHibridación xenómica comparada (CGH)FarmacoxenómicaSingle Nucleotide Polymorphisms (SNPs)Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testingXenómica funcionalEstudo do transcriptoma: microarrais e NGS EpixenómicaExercicios prácticosIntrodución ao visor xenómico IGV	Xenómica clínica	Amplicon-seq			
Exome-seqHibridación xenómica comparada (CGH)FarmacoxenómicaSingle Nucleotide Polymorphisms (SNPs)Genome wide association studies (GWAS)Digital genetic testingXenómica funcionalEstudo do transcriptoma: microarrais e NGSEpixenómicaExercicios prácticosIntrodución ao visor xenómico IGV		Panel-seq			
Hibridación xenómica comparada (CGH) Farmacoxenómica Single Nucleotide Polymorphisms (SNPs) Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testing Xenómica funcional Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS Epixenómica Exercicios prácticos Introdución ao visor xenómico IGV		Exome-seq			
Farmacoxenómica Single Nucleotide Polymorphisms (SNPs) Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testing Xenómica funcional Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS Epixenómica Exercicios prácticos Introdución ao visor xenómico IGV		Hibridación xenómica comparada (CGH)			
Single Nucleotide Polymorphisms (SNPs) Genome wide association studies (GWAS) Digital genetic testing Xenómica funcional Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS Epixenómica Exercicios prácticos Introdución ao visor xenómico IGV		Farmacoxenómica			
Digital genetic testing Xenómica funcional Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS Epixenómica Epixenómica Exercicios prácticos Introdución ao visor xenómico IGV	Single Nucleotide Polymorphisms (SNPs)	Genome wide association studies (GWAS)			
Xenómica funcional Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS Epixenómica Exercicios prácticos Introdución ao visor xenómico IGV		Digital genetic testing			
Epixenómica Exercicios prácticos Introdución ao visor xenómico IGV	Xenómica funcional	Estudo do transcriptoma: microarrais e NGS			
Exercicios prácticos Introdución ao visor xenómico IGV		Epixenómica			
	Exercicios prácticos	Introdución ao visor xenómico IGV			
Resolución de exercicios utilizando GALAXY e/ou GENOMESPACE		Resolución de exercicios utilizando GALAXY e/ou GENOMESPACE			
Análise de expresión xénica utilizando BABELOMICS		Análise de expresión xénica utilizando BABELOMICS			
Análise farmacoxenómica utilizando PHARMGKB		Análise farmacoxenómica utilizando PHARMGKB			

Planificación				
Metodoloxías / probas	Competencias	Horas presenciais	Horas non presenciais / traballo autónomo	Horas totais
Prácticas a través de TIC	B2 B5 B8 C3	21	42	63
Proba mixta	A8 A9 B2 C1 C2 C3	2	8	10



Sesión maxistral	A8 A9 B1 B6 B7 C1	21	52.5	73.5
	C2 C7 C8			
Atención personalizada		3.5	0	3.5
*On deten un energen an téhan de elemíticación con de conócter crientativo, consideren de electrovensidade de elemenada				

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientativo, considerando a heteroxeneidade do alumnado

Metodoloxías		
Metodoloxías	Descrición	
Prácticas a través de	Realización de exercicios prácticos utilizando un portátil propio	
TIC		
Proba mixta	Proba na que se avaliará o aproveitamento das sesión teóricas e prácticas. Poderá incluir preguntas tipo test, cálculo de problemas e resolución de exercicios utilizando portátil propio. Poderán avaliarse separadamente a teoría e as prácticas.	
Sesión maxistral	O profesorado explica os contidos mínimos de cada tema procurando a máxima interacción co alumnado	

Atención personalizada		
Metodoloxías	Descrición	
Prácticas a través de	Durante as sesións prácticas a través de TIC supervisarase o traballo realizado polo alumno.	
TIC	Para o alumnado con recoñecemento de dedicación a tempo parcial e dispensa académica de exención de asistencia, os	
	profesores adoptarán as medidas que consideren oportunas para non perxudicar a súa cualificación.	

Avaliación				
Metodoloxías	Competencias	Descrición	Cualificación	
Sesión maxistral	A8 A9 B1 B6 B7 C1	A asistencia ás sesións maxistráis é obrigatoria. Cómpre un 80% de asistencia para	70	
	C2 C7 C8	poder superar a materia.		
		Avaliarase o aproveitamento desta parte mediante un exame no que o alumnado		
		cumplimentará un test de resposta múltiple, puidendo plantexarse a resolución de		
		exercicios de cálculo semellantes aos resoltos nas sesións.		
Prácticas a través de	B2 B5 B8 C3	A asistencia a prácticas é obrigatoria. Cómpre un 80% de asistencia para poder	30	
TIC		superar a materia.		
		Avaliarase o aproveitamento das prácticas mediante un exame no que o alumnado		
		resolverá unha serie de exercicios utilizando o propio portátil. Este exame poderá ser		
		o mesmo día ca o exame de teoría ou nunha data diferente consensuada co		
		alumnado.		

Observacións avaliación

Para o alumnado con recoñecemento de dedicación a tempo parcial e dispensa académica de exención de asistencia, os profesores adoptarán as medidas que consideren oportunas para non perxudicar a súa cualificación.

Fontes de información			
Bibliografía básica	- Campbell, AM & amp; Heyer LJ (2007). Discovering Genomics, Proteomics & amp; Bioinformatics. Pearson Benjamin		
	Cummings		
	- Robison PN, Piro RM, Jäger M (2018). Computational Exome and Genome Analysis. CRC Press, Taylor & amp;		
	Francis Group		
	- Kulkarni S, Pfeifer J (2015). Clinical Genomics. A guide to Clinical NGS. Academic Press, Elsevier		
	- Brown TA (2018). Genomes4. Garland Science, Taylor & amp; Francis Group		
	- Pevsner J (2015). Bioinformatics and Functional Genomics. Wiley Blackwell		
Bibliografía complementaria			

Recomendacións

Materias que se recomenda ter cursado previamente



Introdución á bioloxía molecular /614522004

Xenética e evolución molecular/614522005

Materias que se recomenda cursar simultaneamente

Materias que continúan o temario

Fundamentos de bioinformática/614522008

Observacións

Para cursar esta materia cómpre, como mínimo, un nivel de inglés equivalente a un B1.

(*)A Guía docente é o documento onde se visualiza a proposta académica da UDC. Este documento é público e non se pode modificar, salvo casos excepcionais baixo a revisión do órgano competente dacordo coa normativa vixente que establece o proceso de elaboración de guías